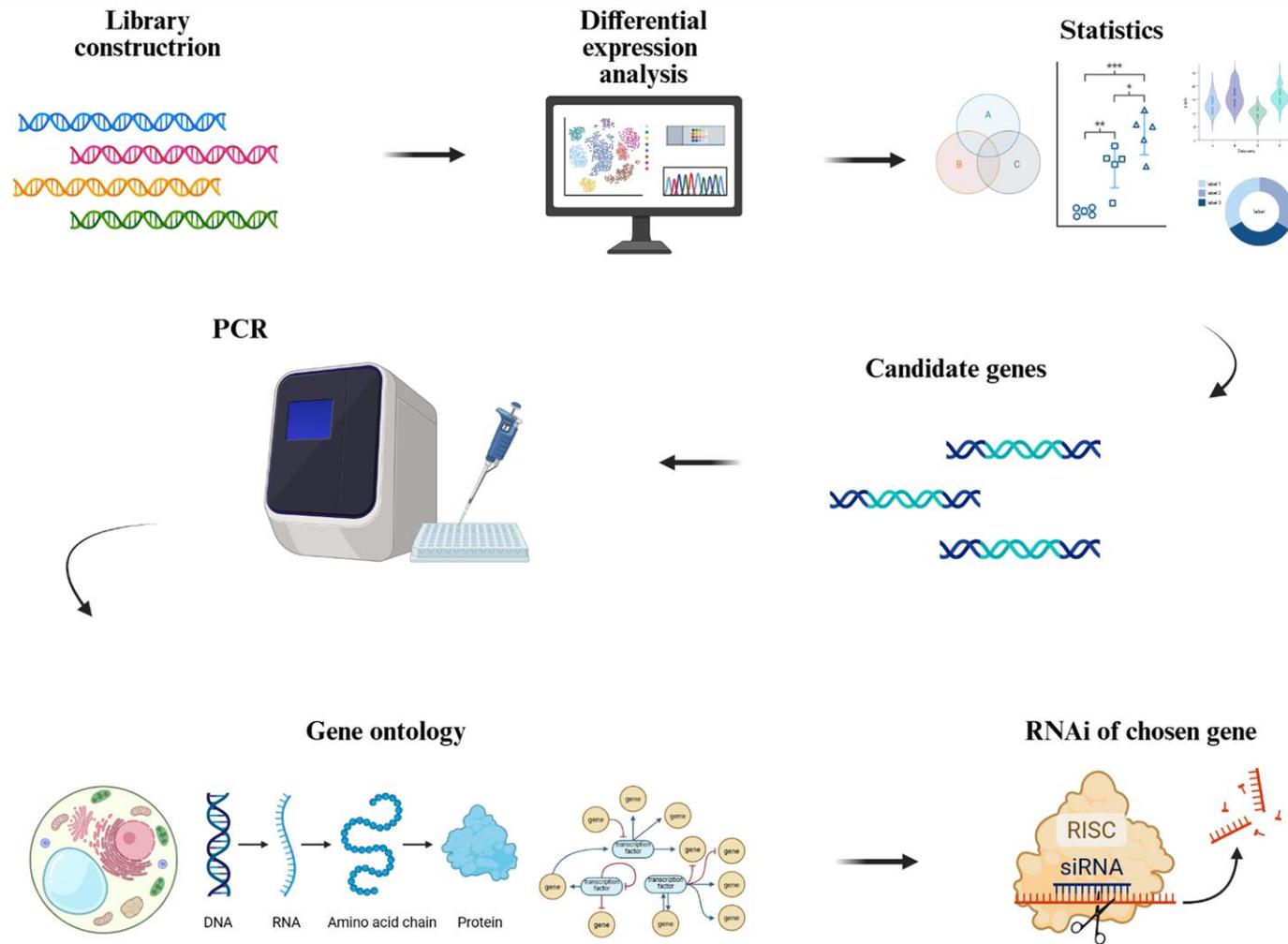




**Fungování hmyzích genů
při imunitní odpovědi**

1) Charakterizace imunitní odpovědi pomocí sekvenování transkriptomů



Mandelinky – genetická analýza

Na testování budou použiti: ♂ a ♀ mandelinek v třech opakováních (s výjimkou kontroly – 4 opakování):
 (hlístice, bakterie a kontrolní vpichy budou analyzovány 6 hodin po aplikaci, houba se musí upřesnit)
 Pro statistiku je potřeba mít 12-15 milionů čtení na vzorek – Z jednoho sekvenování lze dostat 320-340 milionů čtení... mělo by vyjít až 25 vzorků: $340000000/25 = 13600000$

Působení	poč. mandelinek	počet knihoven cDNA	
• 1) Kontrola (čistá bez vpichu)	4 ♂ +4 ♀	4	} Krácená verze
• 2) Kontrola (s vpichem fyziologického roztoku)	3 ♂ +3 ♀	3	
• 3) Hlístice kmen 1343 (<i>Steinernema carpocapsae</i>)	3 ♂ +3 ♀	3	
• 4) Baktérie (původ z <i>Steinernema carpocapsae</i>)	3 ♂ +3 ♀	3	
• 5) Hlístice kmen Jakub (<i>Steinernema feltiae</i>)	3 ♂ +3 ♀	3	
• 6) Baktérie (původ z kmene Jakub)	3 ♂ +3 ♀	3	
Celkem:	19♂ +19♀	19	} Plná verze
• 7) <i>Beauveria</i>	3 ♂ +3 ♀ 3		
• 8) <i>Bacillus thuringiensis</i>	3 ♂ +3 ♀ 3		
	25 ♂ 25 ♀	25	

Odpoředi larev mandelinky na patogeny

- 1) Control (clean, no injury)
- 2) Control (injected with phys. solution) 6 hrs
- 3) Nematote Jakub (*Steinernema feltiae*) 6 hrs
- 4) Nematote 1343 (*Steinernema carpocapsae*) 6 hrs
- 5) Bacteria G- (from 1343) 6 hrs
- 6) Bacteria G- (from Jakub) 6 hrs
- 7) *Bacillus thuringiensis* US strain 6 hrs
- 8) *Beauveria* 48 hrs
-

